

研究者眼中的遗传资源惠益共享及存在问题

文/Alice Hughes

摘要：遗传资源的获取和惠益分享机制，是解决发展中国家与发达国家在遗传资源方面利益冲突的重要途径。对于信息的公开与共享不同国家有不同的争议，遗传资源的共享本身是互利共惠的，但是从资源被不合理，合法利用，进而损害本国的商业利益方面看，可能这种共享会存在很大问题。不同国家间的资源共享有助于世界的发展，但是人类需要找到合理的共享机制。

关键词：惠益共享,遗传资源,数字序列信息

Alice Hughes.研究者眼中的遗传资源惠益共享及存在问题.生物多样性保护与绿色发展,第1卷第7期,2022年6月.ISSN2749-9065.doi:10.56090/BioGreen Vol.1.202206

感谢前几位演讲者介绍的 DSI 的概念。但是许多人不会意识到它对未来框架的重要性。那些一直在关注生物多样性公约 (CBD) 讨论的人需要明白，DSI 对 2020 年后全球生物多样性公约框架引入下一阶段产生了多大的根本影响。

数字序列信息实际包含的内容还没有达成共识。显然，它包括物种基因型等基本信息，但也可以包括基因组表型信息。主要问题之一是它还可以包含商业价值。联合国内部有现有的框架，包括国际种子条约（粮农遗传资源条约）以及其他各种条约，它们都与 DSI 相交，这意味着我们现在正处于僵局，尤其是在获取和利益共享方面。



图：左上杨焕明教授，右上杜晖贤教授，下 Alice Hughes（胡丽诗）教授

显然，我们需要基因信息，基因数据库每年被访问超过 3600 万次。这不是一个小问题。就访问如何立法，也涉及诸多难题。

早在制定名古屋议定书时，“生物盗版”（Bio-Piracy）就是一个问题。获取物种、遗传数据很重要，因此多样性、对遗传多样性有基本的了解很重要。然而，巴西更加关注生物盗版问题。遗传资源在其他国家被利用，损害了本国的商业利益。如果您正为遗传信息申请专利，这样的机制显然会遇到很大的问题。这仍然是实现 2020 年后框架的主要争论点。

2020 后框架内的目标包含遗传多样性。除非测量遗传多样性，否则无法达到这些目标。因此，我们不仅需要更好地定义 DSI，还要明确基因表达数据，找到保护国家和土著社区的方法保障他们可以继续访问传统资源而不会被利用。理想情况下，在这些公民的权利方面，保持访问和利益共享，同时提供我们需要的数据，以便监测和访问全球物种的种群。